

Comentarios acerca de: ¿Los polimorfismos de los genes GGTT1 y GSTM1 de la glutathion-s-transferasa protegen contra la enfermedad del hígado graso no alcohólico?

Jenny Romero 

Instituto Medico La Floresta. Correo: jennyromerom@gmail.com ORCID: [0000-0003-0710-4980](https://orcid.org/0000-0003-0710-4980)



Este es un artículo de acceso abierto publicado bajo los términos de la [Licencia Creative Commons Attribution \(CC BY\)](https://creativecommons.org/licenses/by/4.0/)

Comentarios acerca de: ¿Los polimorfismos de los genes GGTT1 y GSTM1 de la glutathion-s-transferasa protegen contra la enfermedad del hígado graso no alcohólico?

Publicado en GEN en el Vol. 76, número 4, Octubre-Diciembre 2022, Pags: 143-149.

La enfermedad del hígado graso no alcohólico (EHGNA) es la manifestación hepática del síndrome metabólico¹, sin embargo, desde el 2020 se ha sugerido utilizar el término “Enfermedad del hígado graso asociado a disfunción metabólica (MAFLD)” para referirse dicha enfermedad hepática². Actualmente, ambos términos son utilizados por diferentes especialidades médicas y médicos de atención primaria.

Su prevalencia mundial, ya elevada, continúa en constante crecimiento. Su patogenia está relacionada con factores ambientales, dietéticos y del huésped; principalmente al aumento de la obesidad y el sedentarismo.

La evidencia también apunta a factores genéticos que desempeñan un papel importante en la modulación de la aparición, la gravedad y el pronóstico a largo plazo de EHGNA¹.

Es importante que los gastroenterólogos, hepatólogos y otras especialidades médicas relacionadas con el Síndrome Metabólico estén al tanto de los principales factores genéticos que influyen en la aparición y progresión de la EHGNA, ya que son la clave para una mejor comprensión de la patogenia, así como el uso de nuevos y mejores tratamientos.

Los autores del presente estudio clínico se plantearon como objetivo determinar la variabilidad de los genes *GSTT1* y *GSTM1* en pacientes con enfermedad de hígado graso no alcohólico (EHGNA), procedentes de diferentes centros hospitalarios del municipio Maracaibo, Edo. Zulia, y los datos obtenidos en su estudio sugieren que el alelo *GSTT1*- y la combinación *GSTT1*-/*GSTM1*- confieren una posible protección contra el desarrollo de la enfermedad de hígado graso no alcohólico en la población estudiada. Los autores recomiendan ampliar el tamaño de la muestra, determinar otros polimorfismos asociados a los genes *GSTT1* y *GSTM1*, así como realizar un estudio en individuos venezolanos procedentes de distintas regiones del país.

Finalmente, felicito a los autores por el aporte novedoso del presente estudio en torno a los factores genéticos asociado a la EHGNA en nuestra población, ya que existen muy poca literatura publicada en nuestro país al respecto.

Referencias

1. Severson TJ, Besur S, Bonkovsky HL. Genetic factors that affect nonalcoholic fatty liver disease: A systematic clinical review. *World J Gastroenterol.* 2016; 22(29):6742-56. doi: 10.3748/wjg.v22.i29.6742. PMID: 27547017; PMCID: PMC4970479.
2. Gofton C, Upendran Y, Zheng MH, George J. MAFLD: How is it different from NAFLD? *Clin Mol Hepatol.* 2023; 29(Suppl): S17-S31. doi: 10.3350/cmh.2022.0367. Epub 2022 Nov 29. PMID: 36443926; PMCID: PMC10029949.